



HOME **EDUCAÇÃO**



Divulgação

NOVA FERRAMENTA

Pesquisadores da UEM desenvolvem programa capaz de identificar novos genes

Redação Bonde com Assessoria de Imprensa

09 dez 2021 às 18:00

Pesquisadores da UEM (Universidade Estadual de Maringá) desenvolveram um programa de computador capaz de analisar sequências de genes conhecidos como RNAs não codificantes.

PUBLICIDADE

O programa foi desenvolvido durante o doutorado de Diego de Souza Lima, sob a orientação do docente Flavio Augusto Vicente Seixas, e é capaz de classificar

rapidamente milhares de sequências entre 13 tipos diferentes de RNAs não codificantes, com precisão superior a alguns dos métodos mais avançados.

CONTINUA DEPOIS DA PUBLICIDADE

“Por se tratar de uma nova ferramenta para auxiliar pesquisadores da área de genética, espera-se que possa contribuir no descobrimento de genes até então desconhecidos”, afirma Flavio Seixas.

Ainda segundo o professor, esses genes, antes considerados sem importância hoje são apontados como essenciais para todos os organismos vivos, além de estarem envolvidos em doenças autoimunes e diversos tipos de câncer.

“Porém, mesmo com este progresso, a função destes genes ainda é [pouco](#) compreendida, e a sua identificação não é tarefa fácil”, esclarece o orientador

Nesse sentido, os pesquisadores criaram um programa que se baseia em métodos de inteligência artificial para analisá-los e dizer, com alta precisão, qual é a função deles no metabolismo.

PUBLICAÇÃO - O artigo que descreve o programa de computador, nomeado como “NCYPred”, foi publicado na revista científica IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics, e pode ser utilizado gratuitamente por pesquisadores do mundo todo por meio do site RNA - Submissão ([uem.br](#)).